

| 主持人 | 时间 | 报告人 | 单位 | 报告题目 |
|--------------|-------------|-------------|-----------------------------|---|
| 4月22日 | 11:30-12:00 | 签 到 | | |
| 叶 升 | 12:00-13:00 | 午 餐 | | |
| | 13:00-13:10 | 冯新华 | 浙江大学 生命科学研究院 | 致开幕辞 |
| | 13:10-13:40 | 特邀报告 高 宁 | 清华大学 生命科学学院 | Structural aspects of ribosome biogenesis and control |
| | 13:40-14:10 | 特邀报告 黄亿华 | 中科院生物物理所 | Visualizing the Biogenesis of Outer Membrane of Gram-negative Bacteria |
| | 14:10-14:30 | 金腾川 | 中国科学技术大学 生命科学学院 | Design of an expression system to enhance MBP-mediated crystallization |
| | 14:30-14:50 | 杨慧蓉 | 复旦大学 生物医学研究院 | Cryo-EM structure of human mTOR Complex 1 |
| | 14:50-15:10 | 王岚峰 | 中科院 上海巴斯德研究所 | The structural mechanism of eukaryotic RNA polymerase II (Pol II) related transcriptional regulations |
| | 15:10-15:30 | 合影/茶歇 | | |
| 朱永群 | 15:30-15:45 | 彭学谦 | 浙江大学药学院 张海涛组 | Structural Basis for Subtype Selectivity and Functional Diversity in Angiotensin II Receptors |
| | 15:45-16:00 | 孙 超 | 华东师范大学 赵欣组 | Function of bacterioruberin in archaerhodopsin 4, expression and characterization |
| | 16:00-16:15 | 宋宜辉 | 中科院营养所 向嵩组 | Structural Insights into the CRIC2-CREB Complex Assembly On CRE |
| | 16:15-16:30 | 吴绍文 | 复旦大学 王文宁组 | The dynamic multisite interactions between intrinsically disordered proteins |
| | 16:30-16:45 | 程金博 | 中国科技大学 金腾川组 | 晶体衍射数据处理软件 XDS 的图形化界面 |
| | 16:45-16:55 | 王国强 | Nano Tempter Technologys | 微量热泳动技术 MST 与分子间相互作用 |
| | 16:55-17:03 | 宋明敏 | Beckman Coulter | 溶液中蛋白表征技术---AUC |
| | 17:03-17:11 | 钱 俊 | 上海知楚仪器 有限公司 | 摇床更新对实验带来的帮助! |
| | 17:11-17:19 | 夏鸿西 | 业立生物科技 (上海)有限公司 | 生物分离纯化介质国产化进展 |
| | | 17:19-19:00 | 自由交流参展时间, 晚宴 | |

| 主持人 | 时间 | 报告人 | 单位 | 报告题目 |
|-------|-------------|-------------|----------------------------|--|
| 4月23日 | 07:20-08:20 | 早餐 | | |
| 任艾明 | 08:20-08:50 | 特邀报告 张 兴 | 浙江大学医学院 | 双链 RNA 病毒穿膜蛋白的结构研究 |
| | 08:50-09:20 | 特邀报告 唐 淳 | 中科院武汉物理 与数学研究所 | Preferred states or continuous variation? A solution structure characterization of retroviral capsid protein |
| | 09:20-09:40 | 王伟武 | 南京农业大学 生命科学学院 | 六型分泌系统中调控蛋白及结构蛋白的结构及功能的研究 |
| | 09:40-10:00 | 叶 升 | 浙江大学 生命科学研究院 | Nanoliter-Scale protein crystallization and stability screening with a microfluidic droplet robot |
| | 10:00-10:15 | 茶 歇 | | |
| 张 兴 | 10:15-10:30 | 郑路倩 | 浙江大学 任艾明组 | 新型核酶 twister-sister 的结构与功能研究 |
| | 10:30-10:45 | 陈屹勃 | 复旦大学 甘建华组 | Unique 5'-P recognition and basis for dG:dGTP misincorporation of ASFV DNA polymerase X |
| | 10:45-11:00 | 张贤君 | 上海科技大学 徐菲组 | Designed Ligand Stabilization and Structure of a large GPCR Complex —Structural basis of full length Smoothened activation |
| | 11:00-11:15 | 武霄仙 | 中科院植物生理 生态研究所 张余组 | Structural Basis of Bacterial Transcription Activation by GcrA |
| | 11:15-11:23 | 韩振坤 | Bio-Rad | 多维层析及其应用 |
| | 11:23-11:31 | 邹晓琪 | 苏州捷美电子 | 精骐专注于“精” |
| | 11:31-11:39 | 潘锡江 | ThermoFisher scientific | CryoEM workflow from FEI (part of ThermoFisher Scientific) |
| | 11:39-11:49 | 自由讨论、优秀报告打分 | | |
| | 11:49-12:04 | 优秀报告颁奖 | | |
| | 12:04-13:04 | 午餐 | | |
| | 13:04-14:04 | 自由交流参展 | | |